

استهارة مستخلصاته رسائل الماجستير والدكتوراه في جامعة البصرة

الكلية : كلية العلوم

اسم المشرف: 1. أ.د. سندس صديق بكر ، 2. أ.د. لمياء مصطفى النعمة

القسم: علوم الحياة

الشهادة: الدكتوراه

التخصص: فسلحة احياء مجهرية

عنوان الرسالة:

التصنيف الفسلجي ، المظاهري والجزئي لـ- *Klebsiella pneumonia* متعددة المقاومة والمنتجة بيتا لاكتيميز واسع الطيف (ESBLs) والمعزولة من الاطفال الرضع في وحدة العناية المركزية في مستشفيات مدينة البصرة

ملخص الرسالة أو الأطروحة:

شملت الدراسة الحالية جمع (400) عينة دم من الاطفال المتوقع اصابتهم بالانタン الدموي المتأخر (late onset sepsis) والذين تراوحت اعمارهم بين (7-28) يوماً للفترة من نيسان 2012 الى شباط 2013 ، استخدمت مزاري الدم للتحري عن وجود البكتيريا في دم المرضى .

أوضحت نتائج العزل الجرثومي عزل 58 (14.5 %) عزلة بكتيرية توزعت بعد تشخيصها باستخدام بعض الاختبارات البايو كيميائية التفريغية الى 23 (39.7 %) (5.1 %) و 3 (Citrobacters species) (8.6 %) 5 (Enterobacters species) (13.8 %) 8 ، Klebsiella species 19 (32.8 %)، Pseudomonas species API . شخصت (19) عزلة من Klebsiella species على انها تعود Klebsiella pneumoniae اختبار بايو كيميائي واستخدام API . كما واظهرت الدراسة توزع (17) عزلة من Klebsiella pneumoniae على تسع سلالات بكتيرية من Klebsiella pneumoniae هي ، 20E kit (NBRC 14443) بينما سلالاتين من بكتيريا Klebsiella pneumonia العزلات المرقمه (3 و 52) تمتلك طفرات مختلفة العدد والانواع مقارنه بالعزلات القياسية . سجلت هذه العزلات كعزلات جديدة وسميت ثم نشرت في البنك الجنبي العالمي والبنك الاوربي National Klebsiella pneumoniae SaaSLT1 تحت اسم Center for Biotechnology information (NCBI) and European Nucleotide Archive (ENA) . Klebsiella pneumoniae strain (GenBank:KP240607.1) و strain (GenBank:KP240606.1)

تم التحري عن قابلية *Klebsiella pneumoniae* على إنتاج إنزيم البيتا-لاكتاميز واسع الطيف (extended-spectrum β-lactamases (ESBLs)) باستخدام اربعة طرق هي (double disk synergy test , double disk approximate method , E test and brilliance ESBL medium) . اظهرت نتائج التحري عن إنتاج إنزيم البيتا-لاكتاميز واسع الطيف لعزلات *Klebsiella pneumonia* باستخدام طريقة (double disk synergy test) أن (94.7 %) 18 منتجة للـ ESBL ضد ESBL ضد cefotaxime (32 %) ، ضد ceftazidime (17 %) ضد aztreonam (89.5 %) ضد ESBL ضد ESBL ضد ceftriaxone (16 %) . بينما كانت نتائج التحري عن إنتاج الـ ESBL باستخدام طريقة (double disk approximate method) مع وجود فرق معنوي عالي عند مستوى احتمالية ($P<0.01$) . بينما كانت نتائج التحري عن إنتاج الـ ESBL باستخدام طريقة (approximate method) (ان 19 (100 %) عزلة منتجة للـ ESBL ضد cefotaxime ، 14 (74 %) منتجة للـ ESBL ضد ceftriaxone ، 14 (94.7 %) منتجة للـ ESBL ضد ceftazidime و 19 (100 %) منتجة للـ ESBL ضد aztreonam مع وجود فرق معنوي عند مستوى احتمالية ($P<0.05$). لكن استخدام طريقة (Etest) للتلحرى عن إنتاج الـ ESBL ، اظهرت ان 17 (89.5 %) من العزلات المنتجة للـ ESBL ضد cefotaxime / cefotaxime + clavulonic acid strip . واظهر استخدام وسط الـ brilliance ESBL من العزلات المنتجة للـ ESBL ضد ceftazidime/ceftazidime+ clavulonic acid strip . بينما 13 (68 %) من العزلات المنتجة للـ ESBL اعطي نتائج موجبة لانتاج الـ ESBL لجميع العزلات .

استخدمت تقنية سلسلة التفاعلات المبلمرة (PCR) للكشف عن بلازميدات المقاومة لكل من البلازميد *bla_{TEM}* و *bla_{SHV}* والمسؤول عن انتشار الـ *ESBL* في بكتيريا *Klebsiella pneumonia* المشخصة بالدراسة الحالية. أظهرت نتائج الترحيل في هلام الاكاروز ان جميع العزلات قيد الدراسة تمتلك البلازميد *bla_{TEM}* و البلازميد *bla_{SHV}*. استخدمت تقنية الـ (16SrDNA) لتشخيص انواع *bla_{SHV}* و *bla_{TEM}* المنتشرة بين العزلات قيد الدراسة وتم التحري عن الطفرات المتواجدة في انواع الـ *bla_{SHV}* و *bla_{TEM}* عن طريق استخدام سكونس البلازميدات وترجمته باستخدام برامج ترجمة البروتين والمقارنه مع البروتينات الخاصة لكل من البلازميد *bla_{TEM}* و البلازميد *bla_{SHV}*. اظهرت نتائج الدراسة عن تشخيص ست انواع من *bla_{SHV}* هي *SHV-1, SHV-7, SHV-11, SHV-77, SHV-151 and SHV-163*. هي (بينما تم تشخيص 19 بلازميد جديد من الـ *bla_{TEM}* في هذه الدراسة توزعت على خمس مجتمعات تمتلك طفرات مختلفة العدد والانواع مقارنه مع البروتينات الخاصة للبلازميد National Center for Biotechnology information . سجلت هذه البلازميدات كانوااع جديده وسميت ثم نشرت في البنك الجيني العالمي والبنك الاوربي *bla_{TEM}* SSLT2 plasmids و SSLT1 plasmids (GenBank:KP240601.1), تحت اسم . European Nucleotide Archive (ENA) SSLT5 plasmids و SSLT4 plasmids (GenBank:KP240604.1) و SSLT3 plasmids (GenBank:KP240603.1) (GenBank:KP240602.1) . (GenBank:KP240605.1)

كما وتضمنت الدراسة الحاليه دراسة قابلية تكوين البالويفيلم باستخدام الطرق الكمية (tube method) والطرق النوعية (plate method) ومقارنتها مع قابلية تكوين البالويفيلم مع تقييم منحنى النمو للعزلات قيد الدراسة. اظهرت نتائج الدراسة ان جميع العزلات لها القابلية على تكوين البالويفيلم وان افضل وقت للحضن هو 96h and 72h مع وجود فرق معنوي عالي عند مستوى احتمالية ($P<0.01$) وان هناك علاقة طردية مابين الفترة على تكوين البالويفيلم مع منحنى النمو للعزلات قيد الدراسة.

College: Science

Name of Student: Saad Shakir Mahdi

Dept.: Biology

Name of supervisor: 1. Prof. Dr. Sundus S. Bakr

2. Prof. Dr. Lamia M. Al-Naama

Specialization: Microbial Physiology

Certificate: Doctor of Philosophy

Title of Thesis:

Physiologic, phenotypic and molecular characterization of multi-drugs resistant (MDR) extended-spectrum β -lactamases (ESBLs) producing *Klebsiella pneumoniae* isolated from hospitalized neonates in intensive care units in Basra city

Abstract of Thesis:

The current study included the collection of (400) blood samples from neonates predictably diagnosed as late onset sepsis patients, ranged from (7-28) days, for the period from April (2012) to February (2013). Blood cultures were used For detection of bacteria in the blood .

Results of bacterial isolate by using some differential biochemical tests were showed 58(14.5%) bacterial isolates, that distributed to 23(13.8%) *Pseudomonase* species , 19(32.8%) *Klebsiella* species , 8(13.8%) Enterobacters species ,5(8.6%) Citrobacters species and 3(5.1%) Escherichia coli . (19) isolate Diagnosed as *Klebseilla* species returning to *K.pneumoniae* species by using (19) biochemical test and API 20E kit , current study also showed the distribution the (17) isolates from *K.pneumoniae* into nine strains NBRC14443,TM2,BY6,TO2,KP1513,KLP,CICR-GV4,YC-A42 and CPBPPZ ,while the two strains from *K.pneumoniae* isolates (No.3 and No.52) have different types and number of mutations according to their sequence compared with their reference strains . Theses isolates were reported as new global separated strain and published by the National Center for Biotechnology information (NCBI) and European Nucleotide Archive (ENA) , then databases of these strain were recorded in the GenBank as *Klebseilla pneumoniae* SaaSLT1 strain under accession number (KP240606.1) and *Klebseilla pneumoniae* SaaSLT2 strain under accession number (KP240607.1) respectively.

The detection ability of *K.pneumoniae* isolates for producing the extended spectrum β -lactamase enzymes (ESBLs) by using four methods (double disk synergy test , double disk approximate methods , E test and brilliance ESBL medium . Results were showed the detect of extended spectrum β -lactamase (ESBL) *K.pneumoniae* isolates by using double disk synergy test that 18(94.7%) producing EABL against Aztreonam ,17(89.5%) against cefotaxime, 6(32%) against ceftriaxone and 3(16%) against ceftazidime ,with a high significant difference at the level of probability ($P<0.01$) . While the results of the detected of the production ESBL by using double disk approximate methods that 19(100%) isolates producing ESBL against cefotaxime , 14(74%) against ceftriaxone , 18(94.7%) against ceftazidime and 19(100%) against cefotaxime Aztreonam with a significant difference at the level of probability ($P<0.05$). But using the Etest methods that investigation of the production ESBL showed 17(89.5%) from isolates production ESBL against cefotaxime / cefotaxime + clavulonic acid strip where as 13(68%) from isolates production ESBL against ceftazidime-ceftazidime+ clavulonic acid strip .while the used the brilliance ESBL medium give positive result for all 19 isolates as production ESBL .

The polymerase chain reaction technique (PCR) was used for the detection of resistance plasmids for each of the *bla_{TEM}* and *bla_{SHV}* responsible for the production of extended spectrum β -lactamase in *K.pneumoniae* diagnosed in the current study . Results of migration in agarose gel showed the that all isolates under study possessed plasmid type *bla_{TEM}* and plasmid type *bla_{SHV}*.The 16SrDNA technique was used to diagnose types of *bla_{TEM}* and *bla_{SHV}* scattered among the isolates under study and investigation of the mutations found in types of *bla_{TEM}* and *bla_{SHV}* through the use of plasmids sequences and translation programs using the protein translation and comparison with standard proteins of each of *bla_{TEM}* and *bla_{SHV}* plasmids . The results showed diagnosis of six types of *bla_{SHV}* (SHV-1, SHV-7, SHV-11, SHV-77, SHV-151 and SHV-163). While in this study diagnosis of (19) new plasmids from *bla_{TEM}* distribution in five groups have different types and number of mutations according to their sequence compared with their reference proteins . Theses plasmids were reported as new global separated plasmids and published by the National Center for Biotechnology information (NCBI) and European Nucleotide Archive (ENA) , then databases of these plasmids were recorded in the GenBank as SSLT1 plasmids under accession number (KP240601.1), SSLT2 plasmids under accession number (KP240602.1) , SSLT3 plasmids under accession number (KP240603.1), SSLT4 plasmids under accession number (KP240604.1) and SSLT5 plasmids under accession number (KP240605.1) respectively .

Also the current study included the studying of ability the isoletes to forming biofilm by using quantitative method (tube method) and qualitative methods by using the(tube method and microtitre-plate method) and compared with the portability forming of biofilm by studying the Curve growth of isolates . The study results showed that all isolates have the ability to forming the biofilm and the suitable incubation time is (72h and 96h) with a high significant difference at the level of probability ($P<0.01$) and there is an extrusive correlation between the ability to formation biofilm with the growth curve of the isolates under study.