

اسم الطالب: رنيم عبد الكريم لفته
اسم المشرف: د. بسام ياسين خضير
الشهادة: الماجستير

الكلية: الطب البيطري
القسم: الاحياء المجهرية والطبقيات
التخصص: الاحياء المجهرية
عنوان الرسالة أو الأطروحة

(التشخيص الجزيئي لجينات الميتالو بيتا لكتاميز

bla IMP, bla VIM, bla SPM من بكتريا الاشرشيا القولونية والكليسيلا المرضيه المعزولة من الحيوانات والمرضى في محافظة البصرة

ملخص الرسالة أو الأطروحة

الخلاصة

هدفت هذه الدراسة الى تحديد تواجد انزيمات البيتا لكتاميز في جرثومة الاشرشيا القولونية النمط المصلي O157:H7 و بكتريا الكليسيلا المعزولة من عينات جمعت من براز الجاموس و براز الاطفال خلال فترة خمسة اشهر (اب ٢٠١٥ - ديسمبر ٢٠١٥) تم جمع ٢٥٠ عينة ١٢٥٠ عينة من براز الاطفال الذين يعانون من الاسهال و ١٢٥ عينة من براز الجاموس جمعت من مناطق مختلفة (كرمة علي ، الزبير ، الكرنه ، ابو الخصب) فحست جميع العينات عن وجود الاشرشيا القولونية و الاشرشيا القولونية النمط المصلي O157:H7 و الكليسيلا بوساطة زرعها على وسط الماكونكي اكار و الايسين مثيلين الازرق و السوربيتول مانونكي اكار. تم الحصول على ١٠٤ عزلة (٩٠.٤%) من الاشرشيا القولونية المشكوك بها : ٤٢ عزلة من براز الجاموس و ٦٢ عزلة من عينات براز الاطفال اما بالنسبة للكليسيلا فتم الحصول على ٧١ عزلة ٣٨ من براز الاطفال و ٣٣ من براز الجاموس . جميع العزلات المشكوك بها اخضعت لفحوصات الكيمياء الحيوية. زرعت جميع عينات الاشرشيا القولونية على وسط السوربيتول مانونكي اكار المزود بالسفكسيم والبيوتاسيوم تيلورايت لتحديد المستعمرات غير المخمرة لسر السوربيتول . وجد ان ٤ من اصل ٤٢ عزلة من براز الجاموس بنسبة ٩.٥% و ٦ عزلة من براز الاطفال من اصل ٦٢ عزلة بنسبة ٩.٦% غير مخمرة للسوربيتول. تم اختبار مقاومة العزلات اتجاه ١٠ نوع من المضادات الحيوية بطريقة انتشار القرص لـ كيربي- بور وكانت جميع العزلات مقاومة على الأقل لسبعة من المضادات الحيوية أي أنها أظهرت نمط المقاومة المتعددة للمضادات الحيوية . عرضت عزلات الاشرشيا القولونية النمط المصلي O157:H7 المنتجة لانزيم البيتا لكتاميز لمزيد من الدراسة باستخدام زوجين من البادئات لاختبار تفاعل السلسلة المتبلرة لكل من مورثات *Shv* و *Tem* النتائج اظهرت ان 66.6% من عزلات الاي كولاي المعزولة من براز الاطفال تحتوي على الجين *Tem* و (50%) من العزلات المأخوذة من براز الجاموس تحتوي على هذا الجين ، اما بالنسبة لعزلات الكليسيلا المأخوذة من الانسان ف ٨٣.٣% تحتوي على جين *Tem* و ٧٦% من العزلات المأخوذة من براز الجاموس تحتوي على الجين *Tem* ، اما للجين شف فلم يظهر في اي من العزلات المذكورة. اختبرت عشرون عزلة بكتيرية لاجراء اختبار السلسلة المتبلرة لمعرفة بعض الخصائص الجزيئية لتحديد التتابع النووي لجين ال *Tem* حيث اعطت نتائج متطابقة مع دراسات اخرى باستخدام موقع NCBI مركز التقانات الحيوية العالمي بنسبة ٩٨% ، ٩٩% ، ٩٨% في الاشرشيا القولونية و ٩٩% ، ٩٩% ، ٩٩% بالنسبة للكليسيلا.

College: College of Veterinary
Dep.: Microbiology & Parasitology
Certificate: master
Title of Thesis

Name of Student: Raneem abdulkareem lafta
Name of Supervisor: Dr. Bassam y. khudaier
Specialization: Microbiology

(Molecular characterization of Metallo β -lactamases bla IMP , bla VIM and bla SPM in *Escherichia coli* O157:H7 and *Klebsiella pneumoniae* from Animals and Patients in Basra City.

Abstract of Thesis

Summary

The goal of this study was to define the occurrence of *Tem* and *Shv* beta-lactamases genes (extended-spectrum β -lactamases) in *Escherichia coli* O157:H7 and *Klebsiella pneumoniae* that isolated from buffalo feces and children.

During a period of five months (August 2015 to December 2015), a total of 250 samples were collected 125 from hospitalized children suffering from diarrhea, and 125 from buffalo feces, samples collected from different regions in basra city (Abo alkaseeb , alqurna, karmat ali , alzobeer). All specimens were screened for the presence of *E. coli* O157H7 and *Klebsiella pneumonia* by cultured on MAC, EMB and SMAC.

A total of 104 (59.4%) of suspected *E. coli* isolates were obtained : 42 from buffalo feces and 62 from children stool, while in *Klebsiella* obtained 71 isolates 38 from children and 33 from buffalo, All suspected isolates were tested biochemically.

E. coli isolates were screened on SMAC to detect NSFEC. 4 out of 42 from buffalo feces 9.5% and 6 out of 62 from children stool 9.6% were NSFEC.

All isolates were tested for their antibiotic resistance against 10 antibiotics by the Kirby-Bauer disk diffusion test. All the isolates were found to be resistant to at least 7 antibiotics to which they were subjected. Therefore, all these four isolates were considered to be multidrug resistant.

The *E. coli* O157:H7 β -lactamase-producing isolates were further examined by PCR technique using two pairs of primers to amplify both *Tem* and *Shv* genes. The results revealed that all (66.6%) of the bacteria that isolate from children were positive for *Tem* gene, (50%) from the bacteria that isolate from buffalo were positive for *Tem* gene, while in *Klebsiella* isolate that isolated from children 83.3% were positive to *Tem* gene and 76% of the same bacteria that isolated from buffalo were positive to *Tem* gene, and there is no positive result yielded for *Shv* gene.

Twenty randomly selected PCR products of tem gene of the isolated bacteria were evaluated by Clustalw multiple sequence alignment.

The homology of tem gene was done with 3 other exsion number that selected with the percentage of homology 98%, 98%, 99% in *E. coli* and in percentage of homology 99%, 99%, 99% in *Klebsiella*.

