

الكلية: الطب البيطري الطب البيطري

اسم الطالب: جيان محمد مزبان

القسم: الاحياء المجهرية والتفيليات

اسم المشرف: محمد حسن خضر و باسل عبدالزهره عباس:

التخصص: الاحياء المجهرية

الشهادة: الماجستير

عنوان الرسالة أو الأطروحة

التحديد والتوصيف الجزيئي لجينات المقاومة للمضادات الميكروبية في المكورات العنقودية سالبة التجلط المعزولة من الحيوانات المنزلية ومنتجاتها ومن الإنسان

ملخص الرسالة أو الأطروحة

## الخلاصة

أجريت هذه الدراسة لتحديد الجينات المقاومة للمضادات الميكروبية في المكورات العنقودية سالبة التجلط والتوصيف الجزيئي لها بعد عزل الجرثومة من عينات الحيوانات المنزلية ومنتجاتها ومن الإنسان. حيث جمعت 280 عينة من مصادر مختلفة تضمنت 40 عينة من اللحم المفروم و80 عينة من الحليب (30 عينة من الحليب المباع في الاسواق و50 عينة من الحيوان مباشرة) و40 عينة من مسحات انف الحيوان نفسه و40 عينة من مسحات حلمة ثدي الحيوان ومن جانب آخر ايضا تم جمع 40 عينة من مسحات انف الانسان و40 عينة لمسحات اليد للشخص نفسه خلال الفترة الممتدة من شهر أيلول 2016 لغاية شهر آذار 2017 من مناطق مختلفة في محافظة البصرة.

زرعت العينات على وسط المانيتول الملحي لعزل المكورات العنقودية *Staphylococcus* التي لها القدرة على النمو على الوسط الزرع المذكور، وعند إجراء اختبار التجلط أظهرت النتائج أن 145 عذلة كانت مكورات عنقودية سالبة لانزيم التجلط وبنسبة (51.7%) وكالاتي:

اثنا وعشرون عذلة من اللحم المفروم وبنسبة (55%) و18 عذلة من حليب البقر بنسبة (36%) و10 عذلة من الحليب المباع بنسبة (33%) و26 عذلة من مسحة انف الحيوان (65%) و32 عذلة من مسحات حلمة الحيوان بنسبة (80%) و19 عذلة من مسحة يد الانسان (47%) و18 عذلة من مسحة الانف للشخص نفسه وبنسبة (45%).

أخذت 50 عذلة لغرض تحديد أنواع هذه المكورات العنقودية السالبة باستخدام جهاز VITEK 2 kit حيث شخصت 14 (28%) عذلة منها الى خمسة أنواع من المكورات العنقودية السالبة لانزيم التجلط توزعت كالآتي: 7 (50%) *S. lentus*, 4 (28.5%) *S. gallinarum*, 1 (7.1%) لكل من الأنواع *S. haemolyticus*, *S. chromogen*, *S. scuri*.

د إجراء فحص تفاعل سلسلة البوليميريز (PCR) للتحري عن الجينات *ermA* (199bp) و *ermC*, *ermB* 299bp (142bp) و *msrA* (163 bp) المحمولة على البلازميد والمسؤولة عن مقاومة الايثروميسين الخمسين عذرة من المكورات العنقودية سالبة التجلط حيث كانت اعداد 6 (30%), 1 (5%), 6 (30%) و Multi plex PCR للجينين (*ermC* و *ermA*) و (*msrA* و *ermC*) كانت نسبة وجود الجينين معا 25% و 5% على التوالي.

College: Colleg of Veterinar

Name of Student: jean mohammed mizban

Dep.: Microbiology

Name of Supervisor: Mohammed h. khodour &amp; Basil A. Abas

Certificatte: master

Specialization: Microbiology

Tital of Thesis

t Detection and molecular characterization of antimicrobial resistance in coagulase negative staphylococci isolated from domestic animal, animal products and humans sources

## Abstract of Thesis

## Summary

This study was conducted to identify the antimicrobial resistance genes in the coagulase-negative staphylococci and its molecular characterization after isolating the bacteria from the samples of domestic animals and their products and from human. Two hundred eighty samples were collected from different sources, including 40 samples of minced meat and 80 samples of cow's milk, (30 samples of milk were collected from the markets, and 50 samples collected directly from the animals), 40 samples from the nose of the animal itself, 40 samples from the animal's teat swabs. On the other side, 40 samples of human nose swabs and 40 samples of hand were collected for the same person during the period from September 2016 to March 2017 from different areas in Basrah province.

Samples were planted on the selecting salt mannitol medium to isolate *Staphylococcus* spp. which had the ability to grow on the mentioned medium. When the coagulation test was performed, the results showed that 145 isolates were coagulase negative (51%) as shown:

Twenty two isolates of meat (55%), 18 isolates of cow's milk (36%), 10 isolates of treated milk (33%), 26 isolates of the nose of the animal (65%) and 32 isolates of animal teat swabs (80%), 19 isolates from the swabs of the human hands (47%) and 18 isolates (40%) from the nasal swab of the same persons.

Fifty isolates of these coagulase negative staphylococci (CoNS) were tested using VITEK 2 system. The result showed that 14(28%) isolates were identified as CoNS. and full in five species, including: 7 (50%) *lentus S.*, 4 (28.5%) *S. gallinarum*, and 1 (7.1%) for each species *S. haemolyticus*, *S. chromogen* and *S. scuri*.

When the polymerase chain reaction (PCR) was investigated for *ermA* (199 bp), *ermB* (142 bp), *ermC* (299 bp) and *msrA* (163 bp) on the plasmid and responsible for erythromycin resistance, the result showed 1(5%), 6(30%), 6(30%) and 1(5%) respectively. By using the multi-plex PCR (*ermA*, *ermC*) and (*msrA*, *ermC*), the ratio was 5(25%) and 1(5%) respectively.